

Inhalt

I Einführung	1	2. Zweiter Hauptsatz der Thermodynamik: Das Universum strebt einem Zustand maximaler Entropie entgegen	44
1 Leben	3	A. Spontanität und Unordnung	45
1. Prokaryonten	3	B. Entropie	45
A. Form und Funktion	3	C. Messung der Entropie	47
B. Einteilung der Prokaryonten	6	3. Freie Enthalpie: Ein Maß für Spontanität	48
2. Eukaryonten	7	A. Freie Enthalpie (Gibbs-Funktion)	48
A. Zellstruktur	8	B. Freie Enthalpie und Arbeit	49
B. Entwicklungsgeschichte und Differenzierung	13	4. Chemisches Gleichgewicht	49
3. Biochemie: ein Prolog	15	A. Gleichgewichtskonstanten	49
A. Biologische Strukturen	16	B. Freie Standardenthalpie	50
B. Stoffwechselprozesse	16	C. Gekoppelte Reaktion	52
C. Expression und Übertragung genetischer Information	18	Anhang: Konzentrationsabhängigkeit der Freien Enthalpie	52
4. Der Ursprung des Lebens	20	II Biomoleküle	55
A. Besondere Eigenschaften des Kohlenstoffs	20	4 Aminosäuren	57
B. Chemische Evolution	22	1. Die Aminosäuren der Proteine	57
C. Entstehung lebender Systeme	24	A. Allgemeine Eigenschaften	57
5. Biochemische Fachliteratur	26	B. Peptidbindungen	60
2 Wäßrige Lösungen	29	C. Klassifizierung und Charakteristika	61
1. Eigenschaften des Wassers	29	D. Säure-Base-Eigenschaften	62
A. Struktur und Wechselwirkung	29	E. Anmerkungen zur Nomenklatur	63
B. Wasser als Lösungsmittel	32	2. Optische Aktivität	64
C. Protonenbeweglichkeit	34	A. Operationale Klassifizierung	64
2. Säuren, Basen und Puffersysteme	35	B. Nomenklatur nach Fischer	65
A. Säure-Base-Reaktionen	35	C. Cahn-Ingold-Prelog-System	67
B. Puffer	37	D. Chiralität und Biochemie	68
3 Grundlagen der Thermodynamik: Ein Überblick	43	3. Seltene Aminosäuren	69
1. Erster Hauptsatz der Thermodynamik: Energie bleibt erhalten	43	A. Aminosäure-Derivate in Proteinen	69
A. Energie	43	B. Besondere Funktionen von Aminosäuren	69
B. Enthalpie	44		

5 Techniken der Protein-Reinigung	72	7 Dreidimensionale Struktur von Proteinen	141
1. Protein-Isolierung	72	1. Sekundärstruktur	141
A. Auswahl einer Proteinquelle	72	A. Peptidgruppen	141
B. Methoden der Solubilisierung	73	B. Helicale Strukturen	145
C. Stabilisierung von Proteinen	73	C. β -Strukturen	148
D. Proteinnachweise	75	D. Nichtrepetitive Strukturen	150
E. Strategien der Protein-Reinigung	75	2. Faserproteine	153
2. Löslichkeit von Proteinen	76	A. α -Keratin – Eine Helix aus Helices	154
A. Einflüsse der Salzkonzentration	76	B. Seidenfibroin – Eine β -Faltblattstruktur	155
B. Einflüsse organischer Lösungsmittel	77	C. Kollagen – Ein tripelhelicales Kabel	156
C. Bedeutung des pH-Werts	78	D. Elastin – Ein nichtrepetitives Knäuel	162
D. Kristallisation	78	3. Globuläre Proteine	163
3. Chromatographische Trennverfahren	79	A. Interpretation von Röntgenstrukturen der Proteine	163
A. Ionenaustausch-Chromatographie	79	B. Tertiärstruktur	167
B. Papier-Chromatographie	82	4. Protein-Stabilisierung	173
C. Gelfiltrations-Chromatographie	84	A. Elektrostatische Kräfte	174
D. Affinitätschromatographie	87	B. Wasserstoffbrücken-Bindung	175
E. Andere chromatographische Techniken	89	C. Hydrophobe Kräfte	176
4. Elektrophorese	92	D. Disulfid-Bindungen	179
A. Papier-Elektrophorese	93	E. Protein-Denaturierung	179
B. Gel-Elektrophorese	94	5. Quartärstruktur	180
C. SDS-PAGE	97	A. Wechselwirkungen der Untereinheiten	181
D. Isoelektrische Fokussierung	98	B. Symmetrie in Proteinen	181
E. Kapillarelektrophorese (CE)	98	C. Bestimmung der Zusammensetzung der Untereinheiten	182
5. Ultrazentrifugation	99	D. Multienzymkomplexe	185
A. Sedimentation	99	8 Faltung, Dynamik und strukturelle Evolution der Proteine	189
B. Präparative Ultrazentrifugation	102	1. Proteinfaltung: Theorie und Experiment	189
6 Kovalente Struktur von Proteinen	106	A. Protein-Renaturierung	189
1. Analyse der Primärstruktur	107	B. Faltungsabläufe	192
A. Endgruppen-Bestimmung	108	C. Vorhersage der Proteinstruktur	196
B. Spaltung der Disulfid-Bindungen	111	2. Proteindynamik	199
C. Trennung und Reinigung der Polypeptidketten	113	3. Strukturelle Evolution	201
D. Aminosäuren-Zusammensetzung	113	A. Strukturen des Cytochroms <i>c</i>	201
E. Spezifische Spaltreaktionen für Peptide	115	B. Gen-Duplikation	203
F. Trennung und Reinigung von Peptidfragmenten	117	9 Hämoglobin: Proteinfunktion im Mikrokosmos	206
G. Sequenzierung	117	1. Funktion des Hämoglobins	206
H. Abfolge der Peptidfragmente	117	A. Häm	207
I. Anordnung der Disulfid-Brücken	118	B. Sauerstoffbindung	208
J. Peptidkartierung	119	C. Kohlendioxidtransport und Bohr-Effekt	210
K. Nucleinsäure-Sequenzierung	120	D. Bedeutung von BPG für die O ₂ -Bindung	211
2. Protein-Modifikation	120	2. Struktur und Mechanismus	213
3. Chemische Evolution	121	A. Struktur von Myoglobin	214
A. Sichelzellanämie: Der Einfluß der natürlichen Selektion	121	B. Struktur von Hämoglobin	215
B. Spezifische Veränderungen in homologen Proteinen: Der Effekt der neutralen Drift	127	C. Mechanismus der Kooperativität bei der Sauerstoffbindung	217
C. Evolution durch Genduplikation	133	D. Untersuchung des Perutz-Mechanismus	221
4. Polypeptid-Synthese	135	E. Ursprung des Bohr-Effekts	223
A. Synthetische Verfahren	136	F. Strukturvoraussetzungen für die BPG-Bindung	224
B. Probleme und Ausblicke	137		

3.	Anormale Hämoglobine	224	B. Physiologische Funktionen der Lipoproteine	300
	A. Molekulare Pathologie des Hämoglobins	224	C. Funktionsstörung der Lipoproteine bei Atherosklerose	303
	B. Molekulare Basis der Sichelzell-Anämie	226		
4.	Allosterische Regulation	231		
	A. Adair-Gleichung	231		
	B. Symmetriemodell	232		
	C. Sequentielles Modell	235		
	D. Kooperativität des Hämoglobins	236		
	Anhang: Ableitung der Gleichungen zum Symmetriemodell	237		
	A. Homotrope Wechselwirkungen – Gleichung 9.22	237		
	B. Heterotrope Wechselwirkungen – Gleichung 9.23	237		
10	Zucker und Polysaccharide	240		
1.	Monosaccharide	240		
	A. Einteilung	241		
	B. Konfiguration und Konformation	242		
	C. Zuckerderivate	244		
2.	Polysaccharide	247		
	A. Analytik der Kohlenhydrate	247		
	B. Disaccharide	248		
	C. Struktur-Polysaccharide: Cellulose und Chitin	249		
	D. Depot-Polysaccharide: Stärke und Glycogen	249		
	E. Glycosaminoglycane	251		
3.	Glycoproteine	254		
	A. Proteoglycane	254		
	B. Die Bakterienzellwand	256		
	C. Struktur und Funktion der Glycoproteine	259		
11	Lipide und Membranen	265		
1.	Einteilung der Lipide	265		
	A. Fettsäuren	265		
	B. Triacylglyceride	266		
	C. Glycerophospholipide	267		
	D. Sphingolipide	269		
	E. Cholesterin	271		
2.	Eigenschaften von Lipidaggregaten	272		
	A. Micellen und Doppelschichten	273		
	B. Liposomen	274		
3.	Biologische Membranen	278		
	A. Membranproteine	278		
	B. Fluid-Mosaik-Modell der Membranstruktur	282		
	C. Die Erythrocytenmembran	285		
	D. Blutgruppen	287		
	E. Gap Junctions	290		
	F. Membrananordnung und Protein-Targeting	291		
4.	Lipoproteine	298		
	A. Struktur der Lipoproteine	298		
			III Mechanismen der Enzymwirkung	309
			12 Enzyme: Eine Einführung	311
			1. Historischer Überblick	311
			2. Substratspezifität	312
			A. Stereospezifität	313
			B. Geometrische Spezifität	314
			3. Coenzyme	315
			4. Regulation der Enzymaktivität	316
			5. Einführung in die Enzymnomenklatur	320
			13 Geschwindigkeiten enzymatischer Reaktionen	323
			1. Chemische Kinetik	323
			A. Elementarreaktionen	323
			B. Reaktionsgeschwindigkeiten	324
			C. Theorie des Übergangszustandes	325
			2. Enzymkinetik	329
			A. Michaelis-Menten-Gleichung	329
			B. Analyse kinetischer Daten	331
			C. Reversible Reaktionen	332
			3. Hemmung	334
			A. Kompetitive Hemmung	334
			B. Unkompetitive Hemmung	336
			C. Gemischte Hemmung	337
			4. Einfluß des pH-Wertes	338
			5. Bisubstrat-Reaktionen	340
			A. Terminologie	340
			B. Geschwindigkeitsgleichungen	341
			C. Unterscheidung von Bisubstrat- Mechanismen	342
			D. Isotopenaustausch	343
			Anhang: Ableitungen der verschiedenen Formen der Michaelis-Menten-Gleichung	344
			A. Michaelis-Menten-Gleichung für reversible Reaktionen – Gleichung 13.30	344
			B. Michaelis-Menten-Gleichung für unkom- petitive Hemmung – Gleichung 13.41	345
			C. Michaelis-Menten-Gleichung für gemischte Hemmung – Gleichung 13.45	345
			D. Berücksichtigung von pH-Effekten in der Michaelis-Menten-Gleichung – Gleichung 13.47	346
			14 Enzymatische Katalyse	348
			1. Katalysemechanismen	348
			A. Säure-Base-Katalyse	348
			B. Kovalente Katalyse	351

C. Metallionen-Katalyse	353	16 Die Glycolyse	420
D. Elektrostatische Katalyse	354	1. Reaktionsfolge der Glycolyse	420
E. Katalyse durch Nachbargruppen- und Orientierungseffekte	354	A. Geschichtlicher Überblick	420
F. Katalyse durch Bindung des Übergangszustandes	356	B. Übersicht über den Glycolycestoffwechsel- weg	422
2. Lysozym	358	2. Die einzelnen Reaktionsschritte der Glycolyse .	424
A. Enzymstruktur	358	A. Hexokinase: Der Verbrauch des ersten Moleküls ATP	424
B. Katalysemechanismus	362	B. Glucosephosphat-Isomerase	426
C. Überprüfung des Phillips-Mechanismus . .	364	C. Phosphofruktokinase: Der Verbrauch des zweiten Moleküls ATP	427
3. Serin-Proteasen	366	D. Aldolase	428
A. Kinetik und katalytische Gruppen	366	E. Triosephosphat-Isomerase	431
B. Röntgenstrukturanalyse	368	F. Glycerinaldehyd-3-phosphat-Dehydrogenase: Erste Bildung eines energiereichen Zwischenprodukts	432
C. Katalysemechanismus	371	G. Phosphoglycerat-Kinase: Produktion des ersten Moleküls ATP	434
D. Experimentelle Überprüfung des Katalysemechanismus	372	H. Phosphoglycerat-Mutase	434
E. Zymogene	375	I. Enolase: Bildung eines zweiten energiereichen Zwischenprodukts	436
4. Glutathion-Reduktase	376	J. Pyruvat-Kinase: Bildung des zweiten Moleküls ATP	438
IV Stoffwechsel	387	3. Gärung: Anaerober Pyruvatabbau	439
15 Einführung in den Stoffwechsel	389	A. Homolactische Fermentation	440
1. Stoffwechselwege	389	B. Alkoholische Gärung	442
2. Organische Reaktionsmechanismen	392	C. Energetik der Gärung	444
A. Chemische Grundlagen	392	4. Kontrolle des Stoffwechselflusses	444
B. Gruppenübertragungen	394	A. Erzeugung des Flusses	445
C. Oxidationen und Reduktionen	395	B. Kontrolle der Glycolyse im Muskel	446
D. Eliminierungen, Isomerisierungen und Umlagerungen	396	5. Stoffwechsel anderer Hexosen	450
E. Reaktionen unter Bruch und Bildung von C-C-Bindungen	398	A. Fructose	451
3. Experimentelle Ansätze zur Untersuchung des Stoffwechsels	398	B. Galactose	452
A. Stoffwechsel, Wachstumsuntersuchungen und molekulare Genetik	399	C. Mannose	454
B. Isotope in der Biochemie	400	17 Glycogenstoffwechsel	457
C. Isolierte Organe, Zellen und subzelluläre Organellen	404	1. Glycogenabbau	458
4. Thermodynamik von Phosphatverbindungen .	404	A. Glycogen-Phosphorylase	458
A. Phosphorylgruppenübertragungen	405	B. Glucosephosphat-Mutase	462
B. Zum Begriff der „Energie“ bei energiereichen Verbindungen	406	C. Das Glycogen-Debranching-Enzym	462
C. Rolle des ATP	408	D. Thermodynamik des Glycogenstoffwechsels: Die Notwendigkeit getrennter Wege für Synthese und Abbau	462
5. Oxidations-Reduktions-Reaktionen	411	2. Glycogensynthese	463
A. Nernst-Gleichung	411	A. UDP-Glucose-Pyrophosphorylase	464
B. Messung von Redoxpotentialen	412	B. Glycogen-Synthase	464
C. Konzentrationszellen	413	C. Glycogenverzweigung	465
6. Thermodynamik biologischer Prozesse	414	3. Die Kontrolle des Glycogenstoffwechsels . .	466
A. Lebende Systeme sind im Nichtgleich- gewicht	414	A. Direkte allosterische Kontrolle von Glycogen- Phosphorylase und Glycogen-Synthase . . .	466
B. Nichtgleichgewichtsthermodynamik und Fließgleichgewicht	414	B. Kovalente Modifikation von Enzymen durch cyclische Kaskaden: Verstärkung des Effektor-„Signals“	467
C. Thermodynamik der Stoffwechselkontrolle	415	C. Bicyclische Glycogen-Phosphorylase- Kaskade	469

D. Bicyclische Glycogen-Synthase-Kaskade	473	20 Elektronentransport und oxidative Phosphorylierung	527
E. Integration der Glycogenstoffwechsel-Kontrollmechanismen	473	1. Mitochondrium	528
F. Aufrechterhaltung des Blutglucosespiegels	474	A. Aufbau des Mitochondriums	528
G. Reaktion auf Streß	476	B. Mitochondriales Transportsystem	529
4. Glycogenspeicherkrankheiten	476	2. Elektronentransport	532
Anhang: Kinetik einer cyclischen Kaskade	479	A. Thermodynamik des Elektronentransports	532
18 Transport durch Membranen	482	B. Reaktionsfolge beim Elektronentransport	533
1. Thermodynamik des Transports	482	C. Komponenten der Elektronentransportkette	536
2. Kinetik und Mechanismus des Transports	483	3. Oxidative Phosphorylierung	545
A. Nichtkatalysierter Transport	483	A. Hypothesen zur Energiekopplung	545
B. Kinetik des katalysierten Transports: Glucosetransport in das Innere von Erythrocyten	484	B. Erzeugung des Protonengradienten	546
C. Ionophoren	486	C. Mechanismus der ATP-Synthese	549
D. Mechanismus des passiv katalysierten Glucose-Transports	489	D. Entkopplung der oxidativen Phosphorylierung	552
3. Durch ATP angetriebener aktiver Transport	491	4. Kontrolle der ATP-Produktion	555
A. Die (Na ⁺ /K ⁺)-ATPase der Plasmamembran	492	A. Kontrolle der oxidativen Phosphorylierung	555
B. Ca ²⁺ -ATPase	495	B. Koordinierte Kontrolle der ATP-Produktion	556
C. Die (H ⁺ /K ⁺)-ATPase der Magenschleimhaut	497	C. Physiologische Bedeutung der Konkurrenz von aerobem und anaerobem Stoffwechsel	557
D. Gruppentranslokation	497	21 Andere Wege des Kohlenhydrat-Stoffwechsels	561
4. Durch Ionengradienten angetriebener aktiver Transport	499	1. Gluconeogenese	561
A. Na ⁺ /Glucose-Symport	499	A. Gluconeogenese-Stoffwechselweg	562
B. Lactose-Permease	500	B. Regulation der Gluconeogenese	567
C. ADP/ATP-Translokator	501	C. Cori-Cyclus	568
19 Citronensäure-Cyclus	504	2. Glyoxylat-Cyclus	568
1. Überblick	504	3. Biosynthese von Oligosacchariden und Glycoproteinen	570
A. Reaktionen	504	A. Lactose-Synthese	570
B. Geschichte	506	B. Glycoprotein-Synthese	571
2. Stoffwechselquellen für Acetyl-Coenzym A	507	4. Pentosephosphat-Cyclus	578
A. Pyruvat-Dehydrogenase-Multienzymkomplex	507	A. Oxidative Reaktionen bei der NADPH-Produktion	578
B. Kontrolle der Pyruvat-Dehydrogenase	511	B. Isomerisierung und Epimerisierung von Ribulose-5-phosphat	580
3. Enzyme des Citronensäure-Cyclus	512	C. Reaktionen zur Knüpfung und Spaltung von Kohlenstoff-Kohlenstoff-Bindungen	580
A. Citrat-Synthase	513	D. Regulation des Pentosephosphat-Cyclus	583
B. Aconitase	514	E. Mangel an Glucose-6-phosphat-Dehydrogenase	583
C. NAD ⁺ -abhängige Isocitrat-Dehydrogenase	515	22 Photosynthese	586
D. α -Ketoglutarat-Dehydrogenase	516	1. Chloroplasten	587
E. Succinyl-CoA-Synthetase	516	2. Lichtreaktionen	588
F. Succinat-Dehydrogenase	517	A. Absorption von Licht	588
G. Fumarase	518	B. Elektronentransport bei photosynthetischen Bakterien	594
H. Malat-Dehydrogenase	519	C. Elektronentransport-Zentren	598
I. Gesamtbild des Citronensäure-Cyclus	520	D. Photophosphorylierung	606
4. Regulation des Citronensäure-Cyclus	521	3. Dunkelreaktionen	607
5. Amphibole Natur des Citronensäure-Cyclus	523	A. Calvin-Cyclus	607

B. Kontrolle des Calvin-Cyclus	612	2. Harnstoff-Cyclus	685
C. Photorespiration und C ₄ -Cyclus	612	A. Carbamoylphosphat-Synthetase: Einbau des ersten Stickstoffatoms von Harnstoff	685
23 Lipidstoffwechsel	619	B. Ornithin-Transcarbamoylase	687
1. Verdauung, Aufnahme und Transport von Fetten	619	C. Argininsuccinat-Synthetase: Einbau des zweiten Stickstoffatoms von Harnstoff	687
2. Fettsäureoxidation	621	D. Arginin-Succinase	687
A. Aktivierung der Fettsäuren	622	E. Arginase	688
B. Transport durch die Mitochondrien- membran	622	F. Regulation des Harnstoff-Cyclus	688
C. β -Oxidation	623	3. Metabolischer Abbau einzelner Aminosäuren	689
D. Oxidation ungesättigter Fettsäuren	627	A. Aminosäuren können glucogen oder ketogen sein	689
E. Oxidation von Fettsäuren mit einer ungeraden Zahl von Kohlenstoffatomen	628	B. Alanin, Cystein, Glycin, Serin und Threonin werden zu Pyruvat abgebaut	690
F. Peroxisomale β -Oxidation	632	C. Asparagin und Aspartat werden zu Oxalacetat abgebaut	692
G. Untergeordnete Reaktionswege der Fettsäureoxidation	632	D. Arginin, Glutamat, Glutamin, Histidin und Prolin werden zu α -Ketoglutarat abgebaut	693
3. Ketokörper	633	E. Isoleucin, Methionin und Valin werden zu Succinyl-CoA abgebaut	693
4. Biosynthese von Fettsäuren	635	F. Leucin und Lysin werden zu Acetoacetat oder Acetyl-CoA abgebaut	697
A. Überblick über die Fettsäuresynthese	635	G. Tryptophan wird zu Alanin und Acetyl-CoA abgebaut	697
B. Acetyl-CoA-Carboxylase	636	H. Phenylalanin und Tyrosin werden zu Fumarat und Acetoacetat abgebaut	697
C. Fettsäure-Synthase	637	4. Aminosäuren als Vorstufen bei Biosynthesen	703
D. Transport von Acetyl-CoA aus den Mitochondrien ins Cytosol	641	A. Häm: Biosynthese und Abbau	704
E. Elongasen und Desaturasen	642	B. Biosynthese physiologisch aktiver Amine	711
F. Synthese von Triacylglycerinen	643	C. Glutathion	712
5. Regulation des Fettsäurestoffwechsels	643	D. Tetrahydrofolat-Coenzyme: Stoffwechsel von C ₁ -Einheiten	714
6. Cholesterinstoffwechsel	647	5. Aminosäurebiosynthese	717
A. Biosynthese von Cholesterin	647	A. Biosynthese nichtessentieller Aminosäuren	717
B. Kontrolle der Biosynthese und des Cholesterin-Transports	656	B. Biosynthese essentieller Aminosäuren	722
C. Verwertung von Cholesterin	659	6. Stickstoff-Fixierung	729
7. Arachidonsäurestoffwechsel: Prostaglandine, Prostacycline, Thromboxane und Leukotriene	659	25 Koordination des Energiestoffwechsels und Spezialisierung von Organen	733
A. Hintergrund	660	1. Die wichtigsten Stoffwechselwege und Strategien des Energiehaushalts: Eine Zusammenfassung	733
B. Der cyclische Weg des Arachidonsäure- stoffwechsels: Prostaglandine, Prostacyclin und Thromboxane	663	A. Glycolyse (Kap. 16)	733
C. Der lineare Weg des Arachidonsäurestoff- wechsels: Leukotriene	665	B. Gluconeogenese (Abschn. 21-1)	733
8. Stoffwechsel der Phospholipide und Glycolipide	668	C. Abbau und Synthese von Glycogen (Kap. 17)	734
A. Glycerophospholipide	668	D. Abbau und Synthese von Fettsäuren (Abschn. 23-1 bis 23-5)	735
B. Sphingophospholipide	671	E. Citronensäure-Cyclus (Kap. 19)	735
C. Sphingoglycolipide	671	F. Oxidative Phosphorylierung (Kap. 20)	735
24 Aminosäurestoffwechsel	681	G. Pentosephosphatweg (Abschn. 21-4)	735
1. Aminosäure-Desaminierung	681	H. Abbau und Synthese von Aminosäuren (Abschn. 24-1 bis 24-5)	735
A. Transaminierung	682		
B. Oxidative Desaminierung: Glutamat-Dehydrogenase	684		
C. Andere Desaminierungsmechanismen	685		

2.	Spezialisierung von Organen	736
	A. Gehirn	736
	B. Muskel	736
	C. Fettgewebe	738
	D. Leber	739
3.	Anpassung des Stoffwechsels	740
	A. Fasten	740
	B. Diabetes mellitus	741
26	Nucleotid-Metabolismus	743
1.	Chemische Strukturen von Nucleotiden, Nucleosiden und Basen	743
2.	Synthese von Purinribonucleotiden	745
	A. Synthese von Inosinmonophosphat	745
	B. Synthese von Adenin- und Guaninribo- nucleotiden aus Inosinmonophosphat	748
	C. Regulation der Purinnucleotid-Biosynthese	749
	D. Purin-Recycling	750
3.	Synthese von Pyrimidinribonucleotiden	750
	A. UMP-Synthese	751
	B. UTP- und CTP-Synthese	752
	C. Regulation der Pyrimidinnucleotid- Biosynthese	752
4.	Bildung von Desoxyribonucleotiden	753
	A. Produktion der Desoxyribose-Reste	754
	B. Ursprung von Thymin	758
5.	Nucleotidabbau	761
	A. Purine	761
	B. Harnsäure	764
	C. Pyrimidine	765
6.	Biosynthese von Nucleotid-Coenzymen	765
	A. Nicotinamid-Coenzyme	766
	B. Flavin-Coenzyme	768
	C. Coenzym A	768

V Gen-Expression und Weitergabe der Erbinformation 773

27	DNA: Träger der Erbinformation	775
1.	Genetik: Ein Überblick	775
	A. Chromosomen	776
	B. Mendel-Vererbungslehre	776
	C. Chromosomale Theorie der Vererbung	779
	D. Genetik der Bakterien	783
	E. Genetik der Viren: Bakteriophagen	786
2.	Die DNA ist Träger der genetischen Information	790
	A. Die DNA ist das transformierende Prinzip	790
	B. DNA ist die Erbsubstanz der Bakterio- phagen	792

28	Struktur und Manipulation von Nucleinsäuren	794
1.	Chemische Struktur und Basenzusammen- setzung	794
2.	Doppelhelix-Strukturen	796
	A. Die Watson-Crick-Struktur: B-DNA	797
	B. Andere Nucleinsäure-Helices	803
	C. Größe der DNA	806
3.	Strukturstabilisierende Kräfte bei Nucleinsäuren	808
	A. Denaturierung und Renaturierung	808
	B. Konformation des Zucker-Phosphat-Gerüsts	810
	C. Basenpaarung	812
	D. Basenstapelung und hydrophobe Wechselwirkungen	814
	E. Ionische Wechselwirkungen	816
4.	Nucleinsäure-Fraktionierung	817
	A. Lösungsverfahren	817
	B. Chromatographie	817
	C. Elektrophorese	818
	D. Ultrazentrifugation	820
5.	Superspiralisierte DNA	821
	A. Topologie der Superhelix	822
	B. Messung der Superspiralisierung	825
	C. Topoisomerasen	826
6.	Nucleinsäure-Sequenzierung	829
	A. Restriktions-Endonucleasen	830
	B. Chemische Spaltung von DNA	834
	C. Kettenabbruch-Methode	838
	D. RNA-Sequenzierung	840
7.	Chemische Synthese von Oligonucleotiden	841
8.	Molekulare Klonierung	842
	A. Klonierungsvektoren	844
	B. Gen-Spleißen	846
	C. Genomische Banken	848
	D. DNA-Amplifikation durch Polymerase- Kettenreaktion	849
	E. Herstellung von Proteinen	850
	F. Ethische Erwägungen	851

29	Transcription	856
1.	Die Rolle der RNA in der Proteinsynthese	857
	A. Enzym-Induktion	857
	B. Messenger-RNA	859
2.	RNA-Polymerase	861
	A. Struktur des Enzyms	861
	B. Bindung an die Matrize	861
	C. Ketteninitiation	863
	D. Kettenelongation	864
	E. Kettentermination	867
	F. Eukaryontische RNA-Polymerasen	869
3.	Kontrolle der Transcription in Prokaryonten	871
	A. Promotoren	872

B. <i>lac</i> -Repressor	872	B. Rolle der DNA-Gyrase	955
C. Katabolische Repression: Ein Beispiel für Gen-Aktivierung	874	C. Semidiskontinuierliche Replikation	955
D. Das <i>araBAD</i> -Operon: Positive und negative Kontrolle durch ein Protein	879	D. RNA-Primer	956
E. Das <i>trp</i> -Operon: Attenuierung (Transcriptions-Verzögerung)	881	2. Enzyme der Replikation	957
F. Regulation der Synthese der ribosomalen RNA: Stringente Kontrolle	883	A. DNA-Polymerase I	957
4. Posttranscriptionale Modifikationen	885	B. DNA-Polymerase III	960
A. Messenger-RNA-Prozessierung	885	C. Helicasen, DNA-bindende Proteine und DNA-Ligasen	961
B. Prozessierung der ribosomalen RNA	890	3. Replikationsmechanismen von Prokaryonten	962
C. Prozessierung der Transfer-RNA	893	A. Bakteriophage M13	963
30 Translation	898	B. Bakteriophage ϕ X174	963
1. Der genetische Code	898	C. <i>E. coli</i>	966
A. Chemische Mutagenese	899	D. Genauigkeit der Replikation	970
B. Codons bestehen aus Basentriplets	900	4. DNA-Replikation bei Eukaryonten	971
C. Gene und die von ihnen codierten Polypeptide sind colinear	901	A. Der Zellcyclus	971
D. Entschlüsselung des genetischen Codes	901	B. DNA-Polymerasen von Eukaryonten	971
E. Beschaffenheit des Codes	904	C. Reverse Transcriptase	974
2. Transfer-RNA	906	D. Telomere und Telomerase	974
A. Primär- und Sekundärstrukturen	906	5. DNA-Reparatur	975
B. Tertiärstruktur	907	A. Direkte Behebung des Schadens	975
C. Aminoacyl-tRNA-Synthetasen	910	B. Excisionsreparatur	976
D. Codon-Anticodon-Wechselwirkungen	914	C. Rekombinationsreparatur	977
E. Nonsense-Suppression	917	D. Die SOS-Antwort	978
3. Ribosomen	917	E. Identifizierung von Carcinogenen	980
A. Ribosomen-Struktur	918	6. Rekombination und mobile genetische Elemente	981
B. Polypeptid-Synthese: Ein Überblick	925	A. Allgemeine Rekombination	981
C. Kettenstart	927	B. Transposition	985
D. Kettenverlängerung	930	7. DNA-Methylierung	991
E. Kettenabbruch	933	32 Viren: Musterbeispiele für zelluläre Funktionen	997
F. Genauigkeit der Translation	934	1. Tabakmosaik-Virus	999
G. Antibiotika, Inhibitoren der Protein- synthese	935	A. Struktur	999
4. Translationskontrolle in Eukaryonten	938	B. Organisation	1002
A. Translationskontrolle durch Häm	938	2. Sphärische Viren	1004
B. Interferon	939	A. Architektur der Viren	1004
C. mRNA-Maskierung	940	B. Tomaten-Zwergbusch-Virus	1007
5. Posttranslationale Modifikation	940	C. Picorna-Viren	1010
A. Proteolytische Spaltung	940	3. Bakteriophage λ	1010
B. Kovalente Modifikation	942	A. Lytischer Lebenscyclus	1013
6. Proteinabbau	943	B. Zusammenbau der Viruspartikel	1017
A. Der Abbau erfolgt spezifisch	943	C. Lysogener Infektionscyclus	1021
B. Abbaumechanismen	944	D. Mechanismus der λ -Umschaltung	1023
7. Nichtribosomale Polypeptid-Synthese	946	4. Influenza-Virus	1028
31 DNA-Replikation, DNA-Reparatur und Rekombination	953	A. Struktur und Lebenscyclus von Influenza-Viren	1030
1. DNA-Replikation: Ein Überblick	953	B. Mechanismus der Antigen-Variation	1033
A. Replikationsgabeln	953	5. Subvirale Pathogene	1035
		A. Viroide	1035
		B. Prions	1039

33 Gen-Expression bei Eukaryonten	1044	34 Molekulare Physiologie	1100
1. Chromosomenstruktur	1044	1. Blutgerinnung	1100
A. Histone	1045	A. Fibrinogen und seine Umwandlung in Fibrin	1102
B. Nucleosomen: Erste Organisationsebene des Chromatins	1046	B. Aktivierung von Thrombin und die Funktion von Vitamin K	1105
C. 30-nm-Filamente: Zweite Organisations- ebene des Chromatins	1050	C. Der intrinsische Reaktionsweg	1107
D. Radiale Schleifen: Dritte Organisations- ebene des Chromatins	1051	D. Der extrinsische Reaktionsweg	1108
E. Polytänochrosomen	1052	E. Steuerung der Blutgerinnung	1109
F. Polytänochrosomen	1052	F. Auflösung von Blutgerinnseln	1109
2. Aufbau des Genoms	1053	2. Immunität	1110
A. C-Wert-Paradoxon	1054	A. Immunantwort	1110
B. Repetitive Sequenzen	1055	B. Struktur von Antikörpern	1113
C. Tandemförmige Gen-Gruppen	1059	C. Entstehung der Antikörper-Vielfalt	1120
D. Gen-Amplifikation	1061	D. T-Zell-Rezeptoren	1127
E. Gen-Familien: Aufbau der Hämoglobin-Gene	1063	E. Haupt-Histokompatibilitätskomplex	1127
F. Bedeutung der Introns	1065	F. Das Complement-System	1130
G. Thalassämien: Genetisch bedingte Störungen der Hämoglobinsynthese	1067	3. Bewegung: Muskeln, Cilien und Geißeln	1135
3. Regulation der Gen-Expression	1069	A. Die Struktur quergestreifter Muskeln	1135
A. Aktivierung von Chromosomen	1069	B. Mechanismus der Muskelkontraktion	1141
B. Regulation der Transcriptions-Initiation	1071	C. Regulation der Muskelkontraktion	1143
C. Andere Mechanismen der Expressions- steuerung	1078	D. Glatte Muskeln	1146
4. Zelldifferenzierung	1080	E. Actin und Myosin in Nicht-Muskelzellen	1148
A. Embryonalentwicklung	1080	F. Cilienbewegung und Vesikeltransport	1151
B. Molekulare Grundlagen der Entwicklung	1083	G. Bakterien-Geißeln	1156
C. Molekulare Ursachen von Krebs: Oncogene	1089	4. Biochemische Kommunikation: Hormone und Nervenleitung	1158
		A. Endokrines System	1158
		B. Sekundäre Botenstoffe	1171
		C. Neurotransmission	1179
		Register	1197